

Inscrições Limitadas
40 vagas

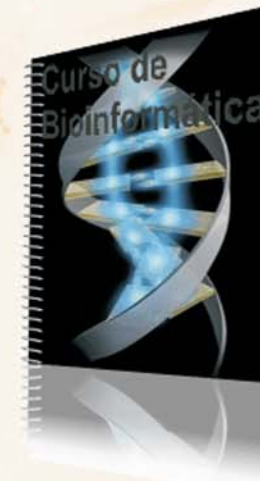
Prazo de Inscrição
20 de Abril 2009

Informações e Inscrições:
www.esa.ipb.pt/bioinformatica
sergiod@ipb.pt, albracho@ipb.pt

Comissão Organizadora:
Sérgio Deusdado
Altino Choupina



Escola Superior Agrária de Bragança



Curso de Bioinformática

22 e 23 de Abril
de 2009

Apoios:



Curso de Bioinformática

22 e 23 de Abril de 2009

A investigação e o desenvolvimento em Bioinformática sofreram um progresso extraordinário nos últimos anos, particularmente após a rápida acumulação de informação relativa a milhares de genomas, que veio abrir novas perspectivas de conhecimento e inovação. Hoje em dia, é muito difícil, senão impossível, avançar significativamente em diversas biociências sem o suporte da Bioinformática.

O presente Curso de Bioinformática está organizado em sessões teóricas no período da manhã e sessões práticas à tarde, num total de 12 horas formativas.

Programa

22 de Abril de 2009

09h00 - Sessão de Abertura, com a presença do Exmo. Presidente da Escola Superior Agrária de Bragança
Prof. Doutor Albino Bento

09h15 - *Fontes da bioinformação*
Altino Choupina, ESA-IPB

Coffee Break

10h30 - *Novas tecnologias de sequenciação de genomas*
Manuel Sánchez Hernández, Universidade de Salamanca

11h30 - *Novas tendências em aplicações bioinformáticas*
Sérgio Deusdado, ESA-IPB

ALMOÇO

14h00 - *Algoritmos e ferramentas computacionais para Engenharia Metabólica*
Miguel Rocha, Universidade do Minho

Sessões laboratoriais:

14h50 - *Bases de dados biológicos*

Lurdes Jorge, Altino Choupina, Tânia Teixeira, Fátima Martins ESA-IPB

16h00 - *Ferramentas bioinformáticas orientadas para a análise de biosequências*

Lurdes Jorge, Altino Choupina, Tânia Teixeira, Fátima Martins ESA-IPB

23 de Abril de 2009

09h00 - *Análise bioestatística usando a linguagem R*
Vasco Cadavez, ESA-IPB

09h50 - *Computação paralela em aplicações bioinformáticas*
José Carlos Rufino, ESTiG-IPB

Coffee Break

11h00 - *Efficient Biclustering Algorithms for Time Series Gene Expression Data Analysis*
Sara Madeira, Universidade da Beira Interior

11h50 - *"Docking" virtual proteína-ligando: utilização de estruturas 3D de proteínas para descobrir potenciais novos fármacos*
Rui Abreu, ESA-IPB

ALMOÇO

Sessões laboratoriais:

14h00 - *"Docking" em 60 minutos: utilização do programa AutoDock4 para tentar prever a conformação de ligação entre um ligando e a proteína-alvo*

Rui Abreu e Hugo Froufe, ESA-IPB

15h00 - *Instalação do Bio-Perl e execução de scripts*
Sérgio Deusdado, Tânia Teixeira, ESA-IPB